



Britta M. Bröer (Autor)

## **Der Nociceptin-Rezeptor**

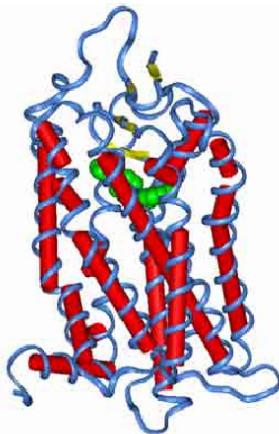
Theoretische Untersuchungen zu Ligand-Protein-Wechselwirkungen

Britta M. Bröer

### **Der Nociceptin-Rezeptor –**

Theoretische Untersuchungen zu

Ligand-Protein-Wechselwirkungen



Cuvillier Verlag Göttingen

<https://cuvillier.de/de/shop/publications/2811>

Copyright:

Cuvillier Verlag, Inhaberin Annette Jentzsch-Cuvillier, Nonnenstieg 8, 37075 Göttingen,  
Germany

Telefon: +49 (0)551 54724-0, E-Mail: [info@cuvillier.de](mailto:info@cuvillier.de), Website: <https://cuvillier.de>

## **INHALTSVERZEICHNIS**

<b>1</b>	<b>EINLEITUNG .....</b>	<b>9</b>
1.1	Allgemein .....	11
1.2	G-Protein-gekoppelte Rezeptoren .....	12
1.2.1	Aufbau der GPCRs .....	12
1.2.2	Einteilung der GPCRs .....	15
1.2.3	Struktur und Funktion der G-Proteine .....	17
1.2.4	Aktivitätszustände von GPCRs .....	17
1.3	Die klassischen Opioid-Rezeptoren (OPR) .....	19
1.3.1	Einfluss der OPR auf Nocizeption .....	20
1.3.2	Nicht-peptidische OPR-Liganden .....	22
1.4	Der Nociceptin-Rezeptor .....	25
1.4.1	Nociceptin/ Orphanin FQ: Struktur und Bedeutung .....	25
1.4.2	Pharmakologische Bedeutung .....	26
1.4.3	Nicht-peptidische Liganden des Nociceptin-Rezeptors .....	28
<b>2</b>	<b>PROBLEMSTELLUNG UND ZIELSETZUNG .....</b>	<b>33</b>
<b>3</b>	<b>METHODEN, DURCHFÜHRUNG, ERGEBNISSE .....</b>	<b>37</b>
3.1	Pharmakophor-Modell für Nociceptin-Rezeptor Agonisten .....	39
3.1.1	Angewandte Methoden .....	39
3.1.2	Durchführung und Ergebnisse .....	45
3.1.3	Erstellen des Pharmakophor-Modells für Nociceptin-Rezeptor Agonisten .....	50
3.2	Ligandbasierte 3D-QSAR Untersuchungen .....	55
3.2.1	Methoden .....	56
3.2.2	3D-QSAR Untersuchungen an Nociceptin-Rezeptor Agonisten .....	61
3.3	Modell des Nociceptin-Rezeptors .....	67
3.3.1	Alignment .....	68
3.3.2	Energieminimierung und Moleküldynamiksimulation .....	77
3.4	Agonist-Rezeptor-Komplexe .....	84
3.4.1	Bindungstasche der Agonisten .....	84
3.4.2	Vergleich ligand-/rezeptorbasierte Überlagerung .....	97
3.5	Rezeptorbasierte 3D-QSAR Untersuchungen .....	98
3.5.1	Durchführung .....	99
3.6	Der Ligand NNC 63-0532 .....	102
3.6.1	Manuelles Docking und MDS .....	102
3.6.2	Automatisches Docking .....	104
3.7	Neue Agonisten .....	107

3.7.1	Einbringen der neuen Liganden in das Pharmakophor-Modell.....	109
3.7.2	Neue Agonisten im Rezeptor .....	113
3.8	Virtuelle Datenbanksuche nach potenziellen Nociceptin-Rezeptor Liganden .....	121
3.8.1	Methoden .....	122
3.8.2	Ergebnisse .....	124
3.9	Nociceptin-Rezeptor Antagonisten .....	133
3.9.1	Ligand-Datensatz .....	133
3.9.2	Bindungsmodus von Nociceptin-Rezeptor Antagonisten.....	139
<b>4</b>	<b>DISKUSSION .....</b>	<b>157</b>
4.1	Rezeptormodell und Agonisten-Rezeptor-Komplexe.....	159
4.1.1	Vergleich mit älteren Molecular Modelling Studien .....	161
4.1.2	Verwendung der Kristallstruktur als Basis für Agonisten-Rezeptor-Komplexe .....	162
4.2	Virtuelles High-Throughput Screening .....	165
4.3	Nociceptin-Rezeptor Antagonisten .....	166
4.3.1	Vergleich mit FGGF .....	167
<b>5</b>	<b>ZUSAMMENFASSUNG.....</b>	<b>169</b>
<b>6</b>	<b>LITERATURVERZEICHNIS.....</b>	<b>173</b>
<b>7</b>	<b>ANHANG .....</b>	<b>185</b>
7.1	Abkürzungsverzeichnis, Einheiten .....	187
7.2	Hardware und Software .....	188
7.3	Verwendete Parameter .....	189
7.4	Aminosäuren .....	189
7.5	WDI: FTREES-Ergebnisse.....	190
7.6	Eingabedateien .....	195
7.7	Überlagerungs-Skript .....	196